

终于等到你，单细胞水平T细胞受体Alpha-Beta链配对分析试剂盒！

SMARTer Human scTCR a/b Profiling Kit

● 单细胞水平

● T细胞

● 受体分析

NGS分析平台：Illumina
适用对象：人

✓ 工作流程灵活：

可以利用FACS（流式细胞术）或手动分选细胞构建Illumina测序文库。

✓ 易于使用：

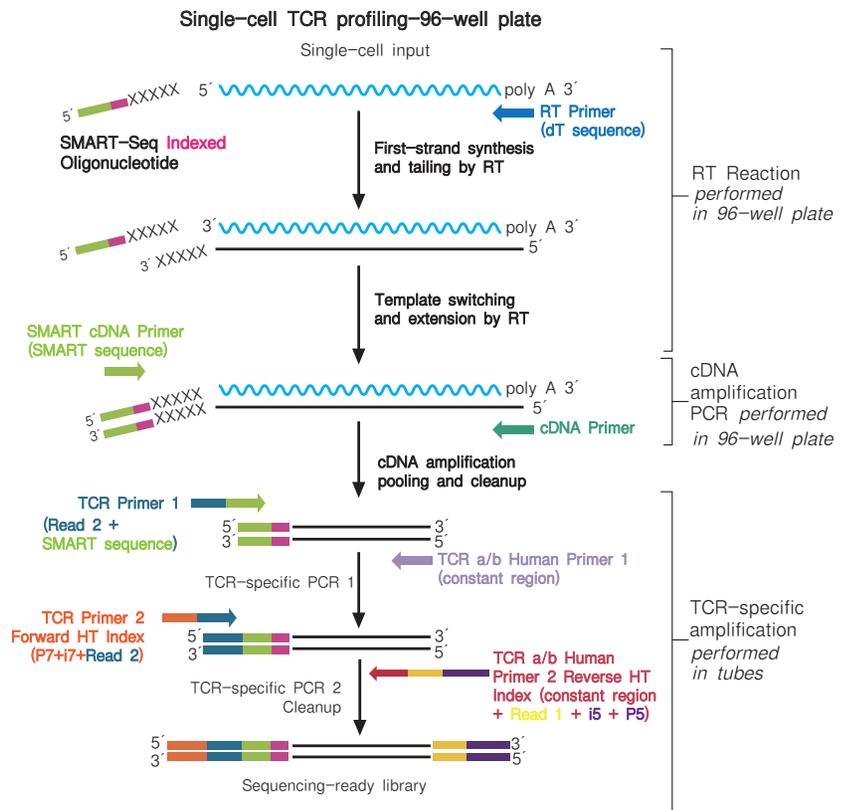
优化的index允许将96个细胞混合制成12个文库，并可以进一步混合在一个flow-cell lane中测序。

✓ 灵敏度高：

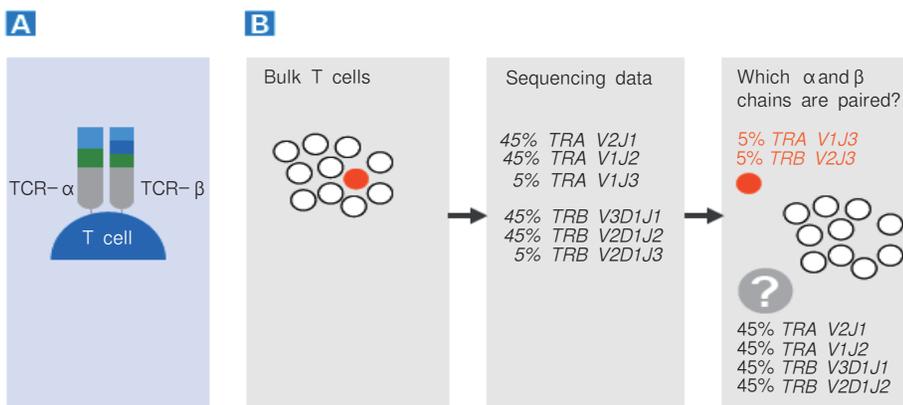
基于RACE方法可以检测低丰度TCR变异体。

✓ 特异性好：

完整reads，大部分reads可以比对到目标区域，提供准确链配对信息。



在单细胞水平进行T细胞研究的优势



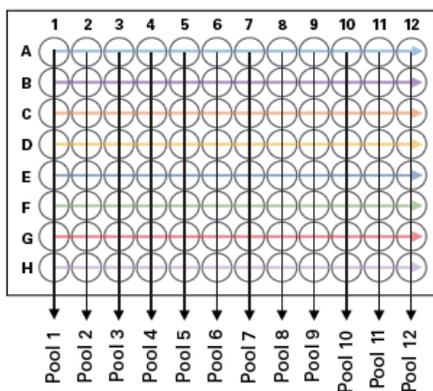
Panel A. T细胞受体alpha链 (TCR- α) 和 beta链组成示意图。

Panel B. 示意了难以从批量细胞测序数据中获得alpha链 (TCR- α) 和beta链配对信息。



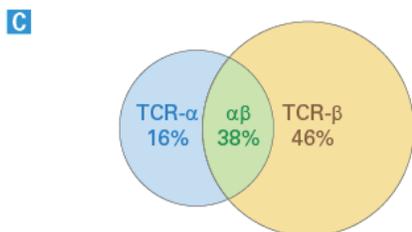
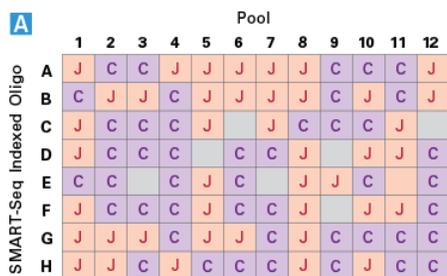
pooling策略

- SMART-Seq Indexed Oligo A
- SMART-Seq Indexed Oligo B
- SMART-Seq Indexed Oligo C
- SMART-Seq Indexed Oligo D
- SMART-Seq Indexed Oligo E
- SMART-Seq Indexed Oligo F
- SMART-Seq Indexed Oligo G
- SMART-Seq Indexed Oligo H



按列混合样品，这样每个pool中包含8个细胞，每个细胞带有不同index的SMART-Seq Indexed Oligo。在PCR 2中通过正向和反向HT indexes的不同组合使用，可以将多样品进一步混合在一个flow-cell lane 中测序。

96孔板中混合细胞群的分析



Panel A. 基于鉴别每孔的克隆型确定细胞种类。遗漏的7个细胞没能通过对高于阈值的TCR-α 或TCR-β 的reads数分析确定克隆型。

Panel B. 配对信息分析。分析获得了平板中34个细胞的TCR-α β 配对克隆型。

Panel C. 以百分比展示了分析细胞的alpha, beta, 或alpha-beta配对信息。遗漏的细胞没有包括在分析数据中。

<以上所有图片与数据来源于Takara Bio Inc.>

< 制品列表 >

制品名称	包装量	Code No.
SMARTer Human scTCR a/b Profiling Kit	96 次	634431
	480 次	634432

* 针对高通量地进行单细胞分选，推荐使用Takara ICELL8-Single-Cell System

- 本宣传页上登载的产品，都是以科研为目的。请不要用于其它方面，如：不要用于人、动物的临床诊断和治疗。也不能用于食品、化妆品及家庭用品等方面。
- 未经本公司许可，严禁产品的转售· 转让、以转售· 转让为目的的产品更改、以及用于商品的制造。
- 专利许可及注册商标信息请在本公司网站上确认：<http://www.takarabiomed.com.cn/>。
- 本宣传页上登载的公司名称及产品名称即使没有特殊标注，使用的也是各公司的商标或注册商标。

Ver.1 2017年11月制作